Por qué la vacunación masiva indiscriminada ha empeorado la pandemia

SARS-CoV-2 muta y prospera fácilmente en los vacunados

Por: Dr. Peter McCullough
Globalizacion, 02 de diciembre 2022

Región: Mundo
Tema: Política, Salud

Un principio de las enfermedades infecciosas es la "administración antimicrobiana", que implica elegir el antibiótico correcto para el paciente correcto y nunca recetar en exceso o cubrir a los pacientes que no necesitan tratamiento.

Otro principio es "reducir el espectro" de una droga una vez que el organismo es identificado por cultivo u otros métodos. Estos enfoques fundamentales para el uso de antibióticos funcionan para limitar el problema de la resistencia bacteriana y el desarrollo de «superbacterias».

Cada año, cada hospital produce su antibiograma o informe de las infecciones comunes encontradas y qué antibióticos son efectivos (el organismo es sensible) o ineficaces (el organismo es resistente). En la pandemia del SARS-CoV-2, estos principios se han aplicado al uso de anticuerpos monoclonales y el proceso explica por qué se retiraron del mercado varios productos de EUA (p. ej., bamlanivimab) cuando se entendió que ya no eran efectivos para neutralizar el SARS- CoV-2.

Todo este proceso de pensamiento se ha tirado por la ventana para las vacunas COVID-19. Durante 18 meses, la proteína Spike de la cepa ancestral del Instituto de Virología de Wuhan fue el antígeno destacado para las vacunas de Pfizer, Moderna, Janssen, AstraZeneca y Novavax. En unos pocos meses, hubo una creciente evidencia de que el SARS-CoV-2 mutaba fácilmente para escapar del alcance de los anticuerpos generados por las vacunas que se aplicarían a enfermedades invasivas graves (IgG e IgM).

Debido a que nunca se ha demostrado que las vacunas COVID-19 neutralicen el SARS-CoV-2 en la nasofaringe, el único beneficio teórico sería para la enfermedad sistémica. Ahora se ha hecho evidente que la naturaleza tiene ventaja sobre los fabricantes de vacunas, ya que el SARS-CoV-2 tiene mucha mayor presteza. Debido a que la replicación puede permitir cambios en el código genético que permiten rápidamente la supervivencia continua, el SARS-CoV-2 disfruta de una biblioteca de ~28k mutaciones, de las cuales ~4.

This article is made available via the ACS COVID-19 subset for unrestricted RESEARCH re-use and analyses in any form or by any means with acknowledgement of the original source. These permissions are granted for the duration of the World Health Organization (WHO) declaration of COVID-19 as a global pandemic.

ACS Infectious Diseases

pubs.acs.org/journal/aidcbc

Article

Emerging Vaccine-Breakthrough SARS-CoV-2 Variants

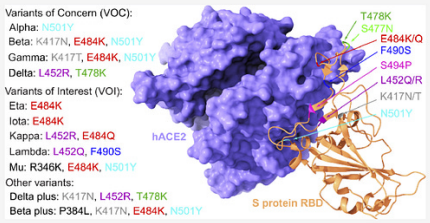
Rui Wang, Jiahui Chen, Yuta Hozumi, Changchuan Yin, and Guo-Wei Wei*

Cite This: https://doi.org/10.1021/acsinfecdis.1c00557

Read Online

ACCESS | Metrics & More | Article Recommendations | Supporting Information

ABSTRACT: The surge of COVID-19 infections has been fueled by new SARS-CoV-2 variants, namely Alpha, Beta, Gamma, Delta, and so forth. The molecular mechanism underlying such surge is elusive due to the existence of 28 554 unique mutations, including 4 653 non-degenerate mutations on the spike protein. Understanding the molecular mechanism of SARS-CoV-2 transmission and evolution is a prerequisite to foresee the trend of emerging vaccine-breakthrough variants and the design of mutation-proof vaccines and monoclonal antibodies. We integrate the genotyping of 1 489 884 SARS-CoV-2 genomes, a library of 130 human antibodies, tens of thousands of mutational data, topological data analysis, and deep learning to reveal SARS-CoV-2 evolution mechanism and forecast emerging vaccine-breakthrough variants. We show that prevailing variants can be quantitatively explained by infectivity-strengthening and vaccine-escape (co-)mutations on the spike protein RBD due to natural selection and/or vaccination-induced evolutionary pressure. We illustrate that infectivity strengthening mutations were the main mechanism for viral evolution, while vaccine-escape mutations become a dominating viral evolutionary mechanism among highly vaccinated populations. We demonstrate that Lambda is as infectious as Delta but is more vaccine-resistant. We analyze emerging vaccine-breakthrough comutations in highly vaccinated countries, including the United Kingdom, the United States, Denmark, and so forth. Finally, we identify sets of comutations that have a high likelihood of massive growth: [A411S, L452R, T478K], [L452R, T478K, N501Y], [V401L, L452R, T478K], [K417N, L452R, T478K], [L452R, T478K, E484K, N501Y], and [P384L, K417N, E484K, N501Y]. We predict they can escape existing vaccines. We foresee an urgent need to develop new virus combating strategies.



KEYWORDS: *COVID-19, SARS-CoV-2, comutations, vaccine-breakthrough, vaccine-resistant, infectivity*

Wang R, Chen J, Hozumi Y, Yin C, Wei GW. Variantes emergentes de SARS-CoV-2 de avance de vacunas. ACS Infect Dis. 2022 11 de marzo; 8 (3): 546-556. doi: 10.1021/acsinfecdis.1c00557. Epub 8 de febrero de 2022. PMID: 35133792; IDPM: PMC8848511.

Wang y sus colegas, utilizando técnicas de modelado detalladas de las mutaciones prevalentes en los países vacunados más intensamente, han demostrado que, de hecho, la vacunación masiva está resultando contraproducente y alimenta una mayor resistencia viral a la limitada biblioteca de anticuerpos que podrían generar las vacunas.[i] El análisis de Wang sugiere que el futuro El desarrollo de una vacuna contra el SARS-CoV-2 es inútil. El virus es simplemente demasiado ágil y puede manipular la «energía libre de unión» entre el RBD y su objetivo humano, el receptor ACE2. Esto significa que cuantas más vacunas se administren, mayor será el número de manchas mutantes y más tiempo se propagará el virus y extenderá la pandemia. Por lo tanto, un paso clave para poner fin a la pandemia será la terminación de la vacunación masiva. El virus no se detiene hasta que la humanidad se detiene.

Dr. Peter McCullough

Dr. Peter McCullough

Notas:

[i] Wang R, Chen J, Hozumi Y, Yin C, Wei GW. Variantes emergentes de SARS-CoV-2 de avance de vacunas. ACS Infect Dis. 2022 11 de marzo; 8 (3): 546-556. doi: 10.1021/acsinfecdis.1c00557. Epub 8 de febrero de 2022. PMID: 35133792; IDPM:

PMC8848511.

Artículo original en inglés:



Why Indiscriminate Mass Vaccination Has Worsened the Pandemic, publicado el 2 de diciembre de 2022.

Traducido y revisado en exclusiva para el Centro de Investigación Sobre Globalización (Global Research).

La fuente original de este artículo es Globalización
Derechos de autor © Dr. Peter McCullough, Globalización, 2022

Comentario sobre artículos de Globalización en nuestra página de Facebook
Conviértase en miembro de Globalización

Artículos de: **Dr. Peter McCullough**

Disclaimer: The contents of this article are of sole responsibility of the author(s). The Centre for Research on Globalization will not be responsible for any inaccurate or incorrect statement in this article. The Center of Research on Globalization grants permission to cross-post original Global Research articles on community internet sites as long as the text & title are not modified. The source and the author's copyright must be displayed. For publication of Global Research articles in print or other forms including commercial internet sites, contact: publications@globalresearch.ca

www.globalresearch.ca contains copyrighted material the use of which has not always been specifically authorized by the copyright owner. We are making such material available to our readers under the provisions of "fair use" in an effort to advance a better understanding of political, economic and social issues. The material on this site is distributed without profit to those who have expressed a prior interest in receiving it for research and educational purposes. If you wish to use copyrighted material for purposes other than "fair use" you must request permission from the copyright owner.

For media inquiries: publications@globalresearch.ca